

# LC-MS basierte Proteinanalytik von Lebensmitteln – Allergenanalytik und Lebensmittelauthentizität

Dienstag, 21. Juni 2016

IGV GmbH, Hörsaal, Arthur-Scheunert-Allee 40/41, 14558 Nuthetal, Ortsteil Bergholz-Rehbrücke (nahe Potsdam)  
Anreisetipps finden Sie hier: <http://www.igv-gmbh.de/igv-gmbh/kontakt/>

Seit einigen Jahren werden die Vor- und Nachteile der Massenspektrometrie gegenüber PCR und ELISA für die Analyse von Lebensmittelproben auf der Proteinebene diskutiert. Besonders Peptidmarker-basierte LC-MS/MS Methoden finden zunehmend Eingang in die Routineanalytik. Die neuesten Fortschritte auf diesem Gebiet stehen im Mittelpunkt dieser Veranstaltung.

## Agenda

- 9:30      *Registrierung und Kaffee/ Tee*
- 10:00      *Begrüßung*
- 10:15      **Proteomics basierte Lösungsansätze in der Lebensmittelchemie zur Quantifizierung von Pflanzen mittels Markerpeptide und zur Pflanzenauthentizität in Produkten**  
*Prof. Dr. Harshadrai Rawel, Universität Potsdam und Dr. Gerd Huschek, IGV, Nuthetal*
- 10:45      **Anwendung der LC-MS/MS Technik bei der Analyse von Allergenen in Food - bessere und sicherere Ergebnisse in der Analytik**  
*Dr. Marcus Macht, SCIEX, Darmstadt*
- 11:15      **Open MS and KNIME - Tools for analysis of HPLC-MS data**  
*Dr. Sandro Andreotti, FU Berlin*
- 11:45      **Mehr Spezifität und Selektivität in der LC-MS/MS Allergenanalytik mittels MRM<sup>3</sup> Detektion**  
*Prof. Dr. Jens Brockmeyer, Universität Stuttgart*
- 12:15      *Mittagspause/ Lunch*
- 13:00      **Automatisierungsmöglichkeiten mit PAL Autosamplern für die Analytik von Proteinen**  
*Dr. Andreas Bruchmann, Axel Semrau, Sprockhövel*
- 13:15      **Fisch-Authentizitätsprüfung mit einer Peptid-Marker basierten LC-MS/MS Methode? Eine Machbarkeitsstudie**  
*Prof. Dr. Stefan Wittke, Hochschule Bremerhaven*
- 13:50      *Schlussworte*

Das Seminar ist eine gemeinsame Veranstaltung von IGV und SCIEX. Ihre Teilnahme ist kostenfrei.  
Wir freuen uns auf Sie!

